

## บทความวิจัย

# การแยกแผลบเฟจจากตัวอย่างหมนมในประเทศไทย

ณัฐพร ภัทรสินไพบูลย์\* อรอนงค์ พริงสุลกะ อัจฉริยา รั้งษิรุจิ และ ณัฐฐิกา สุวรรณาศรัย

### บทคัดย่อ

จากการแยกแบคทีเรียกรดแลคติกและแผลบเฟจจากตัวอย่างหมนมในประเทศไทยทั้งหมด 36 ตัวอย่าง สามารถแยกแบคทีเรียกรดแลคติกได้ทั้งหมด 41 ไอโซเลท เมื่อนำแบคทีเรียกรดแลคติกทั้งหมดมาแยกแผลบเฟจพบว่าสามารถแยกแผลบเฟจได้เพียง 1 ตัว คือ  $\phi$  22 เมื่อทำการจัดจำแนกแบคทีเรียกรดแลคติก N 22 ที่ใช้เป็นโฮสต์ในการแยกเฟจดังกล่าว โดยใช้ชุด API 50 CHL และลำดับเบสของ 16S rDNA พบว่าจากการเปรียบเทียบลำดับเบสของ 16S rDNA กับฐานข้อมูล GenBank แสดงให้เห็นว่าโฮสต์ N 22 มีความคล้ายคลึงกับ *Weissella cibaria* ร้อยละ 99 สำหรับลักษณะทั่วไปของเฟจ  $\phi$  22 พบว่ามีพลาซมขนาดเล็กโดยมีเส้นผ่านศูนย์กลางประมาณ 0.3 มิลลิเมตร และเมื่อศึกษารูปร่างภายใต้กล้องจุลทรรศน์ อิเล็กตรอนแบบส่องผ่านพบว่าจัดอยู่ใน Family Podoviridae โดยมีส่วนหัวเป็นรูปหกเหลี่ยมขนาด 91x36 นาโนเมตร และส่วนหางสั้นความยาว 27 นาโนเมตร เมื่อนำมาศึกษาสมบัติของแผลบเฟจในการติดเชื้อกับแบคทีเรียกรดแลคติกสายพันธุ์อื่นและจีนัสอื่นพบว่า เฟจ  $\phi$  22 ไม่สามารถทำให้เกิดการติดเชื้อ *Weissella* สปีชีส์อื่นหรือแบคทีเรียกรดแลคติกต่างสปีชีส์ได้ และจากการศึกษากราฟการเจริญพบว่ามี latent period และ burst size เท่ากับ 110 นาที และ 55 phage particles/infected cell ตามลำดับ สามารถทำให้เกิดการติดเชื้อมีโฮสต์ในช่วงค่าความเป็นกรดต่าง 5-8 และค่า *D* values ของ  $\phi$  22 สามารถคำนวณได้เท่ากับ 60 วินาที ที่อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส และ 15 วินาที ที่อุณหภูมิ 80 องศาเซลเซียส และปริมาณเฟจจะลดลงจนไม่สามารถตรวจสอบได้ที่อุณหภูมิ 80 องศาเซลเซียส ระยะเวลามากกว่า 60 วินาที หรือที่อุณหภูมิ 90 องศาเซลเซียส ระยะเวลามากกว่า 20 วินาที หรือที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส ระยะเวลาไม่น้อยกว่า 10 วินาที ซึ่งจากการศึกษาทั้งหมดพบว่าเป็นรายงานครั้งแรกที่ค้นพบแผลบเฟจของ *Weissella cibaria* นอกจากนี้เฟจที่ได้มีลักษณะรูปร่างแตกต่างจากแผลบเฟจของ *Weissella* และแผลบเฟจส่วนใหญ่ของแบคทีเรียกรดแลคติกที่เคยมีรายงาน

**คำสำคัญ:** แผลบเฟจ แบคทีเรียกรดแลคติก หมนม การแยก

## Isolation of LAB phage from Nham (Thai Fermented Pork) in Thailand

Nattaporn Patarasinpaiboon\*, Onanong Pringsulaka, Achariya Rangsiruji  
and Nuttika Suwannasai

---

### ABSTRACT

Lactic acid bacteria and LAB phage from Nham (Thai Fermented Pork) in Thailand were isolated. From a total of 36 samples, 41 isolates of lactic acid bacteria were obtained and employed as hosts for isolation of phages. It was found that only one phage designated  $\phi$  22 was isolated. The lactic acid bacterial isolate named N 22 which was sensitive to  $\phi$  22 infection was identified by API 50 CHL kit and a full length of the 16S rRNA sequence was analyzed. The result from the 16S rRNA sequence revealed that the isolate possessed 99% similarity to *Weissella cibaria* in the GenBank database. Phage  $\phi$  22 formed small plaques with entire edges of 0.3 mm in diameter. Electron micrographs indicated that the phage head was hexagonal, head size and length of tail were 91x36 nm and 27 nm, respectively. On the basis of the morphology, this phage belonged to the family Podoviridae. Host-range determination revealed that phage  $\phi$  22 was not capable of infecting all of the 41 isolates of lactic acid bacteria and referenced *Weissella* strains used. One-step growth experiment showed that the latent period and burst size were estimated at 110 min and 55 phage particles/infected cell, respectively. Furthermore, the phage was infective over a wide range of pH (pH 5-8) and the *D* values of  $\phi$  22 were calculated as 60 s at 70°C and 15 s at 80°C. Phage titers decreased below the detection limit after heating for more than 60 s at 80°C, or 20 s at 90°C or less than 10 s at 100°C. This is the first report on the isolation of *Weissella cibaria* phage and the isolated phage  $\phi$  22 was different from other *Weissella* phages as well as other phages infecting lactic acid bacteria.

**Keywords:** LAB phage, lactic acid bacteria, Nham, isolation

## บทนำ

แฮมเป็นอาหารหมักพื้นเมืองของประชาชนทางภาคเหนือและภาคตะวันออกเฉียงเหนือ ซึ่งมีการบริโภคอย่างแพร่หลายทั่วทุกภาค มีรสเปรี้ยว แฮมที่นิยมบริโภคกันส่วนใหญ่จะผลิตจากเนื้อหมู ซึ่งมีหลายประเภท เช่น แฮมหมูหมู แฮมหมูผสมหนังหมู แฮมซี่โครงหมู เป็นต้น การหมักแฮมทำได้โดยนำเนื้อหมูมาผสมกับข้าวสุกบด กระเทียมบด และเครื่องปรุงต่างๆ จากนั้นบ่มไว้ประมาณ 3-4 วัน เพื่อให้เกิดการหมัก อันเนื่องมาจากกิจกรรมของแบคทีเรียกรดแลคติก [1] จนผลิตภัณฑ์มีรสเปรี้ยว การผลิตแฮมในปัจจุบันมักผลิตในลักษณะอุตสาหกรรมในครัวเรือน ทำให้มีปัญหในการควบคุมคุณภาพ แฮมที่ผลิตได้มีอายุการเก็บรักษาสั้น มีการเน่าเสียสูง รวมทั้งมีการปนเปื้อนจากเชื้อจุลินทรีย์ที่ทำให้เกิดโทษ ทั้งนี้สาเหตุหลักเกิดจากการผลิตที่ยังไม่มีการควบคุมสุลักษณะ รวมทั้งเชื้อจุลินทรีย์ที่ใช้ในการหมักแต่ละครั้งไม่คงที่ ผู้ผลิตมักอาศัยจุลินทรีย์ตามธรรมชาติในการหมัก แต่อย่างไรก็ตามยังมีรายงานการวิจัยไม่มากนักเกี่ยวกับสาเหตุอื่นๆ ที่ทำให้การหมักแฮมให้ผลที่ไม่ดี

แบคทีเรียโอเฟจ (bacteriophage) หรือเฟจ (phage) เป็น bacterial virus หมายถึง กลุ่มของไวรัสที่ทำให้เกิดการติดเชื้อในแบคทีเรีย ค้นพบครั้งแรกโดย Twort ในปี ค.ศ. 1915 และ d' Herelle ในปี ค.ศ. 1917 โดย d' Herelle ได้ให้ความหมายของแบคทีเรียโอเฟจว่า ตัวกินแบคทีเรีย [2] เฟจจัดเป็นออบลิเกต-พาราไซต์ (obligate parasite) ของแบคทีเรีย ทำให้การเพิ่มจำนวนของอนุภาคเฟจเกิดขึ้นเฉพาะเมื่ออยู่ภายในเซลล์ของแบคทีเรีย โดยเฟจจะเข้าไปเกาะติดกับผนังเซลล์และปล่อยสารพันธุกรรมเข้าไปในเซลล์ของแบคทีเรีย หลังจากนั้นก็เข้าสู่ชีวิตของเฟจเพื่อเพิ่มจำนวนอนุภาคเฟจต่อไป [3]

แลคติกแอซิดแบคทีเรียโอเฟจ หรือแลคติกเฟจ (lactic phage) หรือแลบเฟจ (LAB phage) คือ เฟจที่สามารถทำให้เกิดการติดเชื้อกับแบคทีเรียกรดแลคติก (lactic acid bacteria) ซึ่งเป็นเชื้อที่มีความสำคัญอย่างมาก เนื่องจากแบคทีเรียกลุ่มนี้จัดเป็นแบคทีเรียที่ได้รับการยอมรับว่าปลอดภัย (Generally Recognized as Safe: GRAS) และได้ถูกนำมาใช้ในอุตสาหกรรมอาหารหมักหลายประเภท เช่น ผลิตภัณฑ์นม ผักและผลไม้ ปลา และเนื้อสัตว์ [4, 5] จากการทดลองพบว่า แบคทีเรียกรดแลคติกช่วยในการสร้างกรดของผลิตภัณฑ์ ทำให้ผลิตภัณฑ์มีรสเปรี้ยว ส่งผลต่อการยับยั้งการเจริญของเชื้อจุลินทรีย์ที่ไม่ต้องการและจุลินทรีย์ก่อโรค นอกจากนั้นผลิตภัณฑ์ที่เกิดจากกระบวนการเมแทบอลิซึมของแบคทีเรียกรดแลคติกยังมีคุณสมบัติเป็นสารกันบูดชีวภาพ (biopreservative) [6] ซึ่งในการผลิตอาหารหมักให้ได้ผลดีนั้นขึ้นอยู่กับหลายๆ ปัจจัยทั้งทางด้านกายภาพ เคมี และชีวภาพ รวมถึงหัวเชื้อเริ่มต้นที่ใช้ในการหมัก (starter) และแบคทีเรียโอเฟจ โดยพบว่าถ้าหัวเชื้อเริ่มต้นมีการปนเปื้อนด้วยแลบเฟจจะทำให้เชื้อแบคทีเรียเริ่มต้นมีจำนวนน้อยและไม่สามารถทำให้การหมักเกิดกรดได้ตามต้องการ ส่งผลเสียต่อผลิตภัณฑ์ เช่น ผลิตภัณฑ์ที่ได้จากการหมักอาหารไม่ดี การหมักใช้เวลานาน [7] ดังนั้นในงานวิจัยนี้จึงได้ทำการแยกแบคทีเรียกรดแลคติกและแยกแลบเฟจซึ่งปนเปื้อนในแฮม จากนั้นทำการศึกษาคุณสมบัติต่างๆ ของแลบเฟจ เพื่อสามารถนำไปใช้ในการพัฒนาการควบคุมการผลิตอาหารหมักให้ได้ผลดี และทราบแนวทางการป้องกันการปนเปื้อนจากแลบเฟจในเชื้อเริ่มต้นที่ใช้ในการผลิตอาหารหมัก

## วิธีการทดลอง

### การคัดแยกและจัดจำแนกเชื้อแบคทีเรียกรดแลคติก

ใช้ loop เฝ้าไฟจนแดง รอจนเย็นแล้วนำ loop ตะบรีวต่าง ๆ ของแหมม นำมา streak ลงบนอาหาร MRS agar ที่ผสม  $\text{CaCO}_3$  ร้อยละ 0.5 นำไปบ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส ใน candle jar เป็นเวลา 24 ชั่วโมง จากนั้นทำการคัดเลือกแบคทีเรียกรดแลคติกเบื้องต้น โดยดูจากรูปร่าง การไม่สร้างเอนไซม์อะซิเตส และจัดจำแนกในระดับจีโนมโดยอาศัยคุณสมบัติทางชีวเคมี ได้แก่ ความสามารถในการเจริญที่อุณหภูมิ 10 และ 45 องศาเซลเซียส ความสามารถในการเจริญที่สภาวะค่าความเป็นกรดต่าง 4.4 และ 9.6 ความสามารถในการเจริญที่สภาวะมี NaCl เข้มข้นร้อยละ 6.5 และ 18 และการสร้างก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์จากการหมักน้ำตาลกลูโคส [8] จากนั้นทำการจัดจำแนกในระดับสปีชีส์โดยใช้ชุดจำแนกแบคทีเรียสำเร็จรูป API 50 CHL (โดยใช้วิธีการตามบริษัทผู้ผลิตกำหนด) และอาศัยลำดับเบสในยีน 16S rRNA โดยการสกัดดีเอ็นเอของแบคทีเรียกรดแลคติกตามวิธีการของ Lu และคณะ [7] แล้วนำ DNA ที่สกัดได้มาเป็น template ในการทำ Polymerase Chain Reaction (PCR) เพื่อเพิ่มจำนวนยีน 16S rRNA ของแบคทีเรีย โดยใช้ primers ที่มีลำดับเบสดังนี้ [9]

forward primer (8-27f) : 5' AGAGTTTGATC(A/C)TGGCTCAG 3'

reverse primer (1525r) : 5' TACGG(C/T)TACCTTGTTACGACTT 3'

จากนั้นทำการผสมสารต่างๆ ที่ใช้ในการทำ PCR แล้วนำไปเข้าเครื่อง MiniCycler™ (Bio-Rad, U.S.A.) โดยกำหนดอุณหภูมิและเวลาสำหรับเพิ่มจำนวนยีน 16S rRNA ตามวิธีการของ Björkroth และคณะ [10] นำชิ้นดีเอ็นเอที่ได้จากการทำ PCR นี้ มาวิเคราะห์ขนาดด้วยวิธีอิเล็กโทรโฟรีซิส นำ PCR product ที่มีขนาดประมาณ 1,500 คู่เบสมาทำให้บริสุทธิ์ โดยใช้ QIA quick Gel extraction Kit (QIAGEN) แล้วนำชิ้นดีเอ็นเอที่ได้ไปหาลำดับเบสของยีน 16S rRNA นำลำดับเบสที่ได้มาเปรียบเทียบกับความเหมือนกันกับลำดับเบสของ 16S rDNA ในฐานข้อมูลของ GenBank โดยใช้โปรแกรม Blastn (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/BLAST>)

### การแยกแลบเฟจโดยใช้แบคทีเรียกรดแลคติกที่แยกได้เป็นโฮสต์

เตรียมเซลล์แขวนลอยของแบคทีเรียกรดแลคติกโดยให้มีค่า  $\text{OD}_{600}$  เท่ากับ 0.6 ดูดมา 1 มิลลิลิตร ใส่ลงในอาหาร MRS broth ปริมาตร 50 มิลลิลิตร ที่บรรจุอยู่ในขวดทดลองรูปชมพู่ขนาด 250 มิลลิลิตร ตั้งทิ้งไว้ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส ประมาณ 6-7 ชั่วโมง จากนั้นใส่แหมมปริมาณ 25 กรัมลงไป บ่มต่อไปอีกเป็นเวลา 24 ชั่วโมง นำตัวอย่างไปตกตะกอน โดยใช้เครื่องปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 4,025 xg เป็นเวลา 10 นาที ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส แยกส่วนน้ำใสมากรองผ่านแผ่นกรองขนาด 0.45 ไมโครเมตร และนำมาวิเคราะห์ขั้นต่อไปว่ามีแลบเฟจอยู่หรือไม่ [11, 12]

### การตรวจสอบแลบเฟจโดยใช้เทคนิคการทำอาหารวุ้นสองชั้น

นำน้ำใส่ที่ได้ปริมาตร 20 ไมโครลิตร และแบคทีเรียกรดแลคติกปริมาตร 20 ไมโครลิตร มาเติมลงในอาหาร MRS broth ที่มีวุ้นร้อยละ 0.5 ที่หลอมเหลวแล้วบรรจุอยู่ในหลอดทดลอง ผสมให้เข้ากัน แล้วเททับลงบนอาหาร MRS agar ที่แข็งตัว บ่มใน candle jar ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 24 ชั่วโมง ตรวจสอบวงใสหรือพลาค (plaque) ที่เกิดขึ้น [13]

### การหาปริมาณของแลบเฟจ

การหาปริมาณของแลบเฟจทำได้โดยเจือจางแลบเฟจในตัวอย่างแบบ serial dilution ให้มีค่าลดลงระดับละสิบเท่า นำสารแขวนลอยของแลบเฟจในแต่ละระดับความเจือจางและแบคทีเรียกรดแลคติกที่ใช้เป็นโฮสต์มาหาปริมาณแลบเฟจ โดยการทำอาหารวุ้นสองชั้น นับจำนวนพลาคที่เกิดขึ้นแล้วนำไปคำนวณกับอัตราการเจือจางเพื่อหาค่าความสามารถในการเกิดพลาค (Plaque forming unit/ml; PFU/ml) โดยคำนวณได้จากสูตร [14]

$$\text{ค่าความสามารถในการเกิดพลาค (PFU/ml)} = \frac{\text{จำนวนพลาค}}{\text{ปริมาณเฟจที่ใช้} \times \text{ค่าความเจือจาง}}$$

### การศึกษารูปร่างของแลบเฟจภายใต้กล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องผ่าน

เตรียมแลบเฟจในอาหารเหลว โดยนำเชื้อแบคทีเรียกรดแลคติกเพาะเลี้ยงในอาหาร MRS broth บ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 24 ชั่วโมง จากนั้นดูดมา 1 มิลลิลิตร ใส่ลงในอาหาร MRS broth ปริมาตร 50 มิลลิลิตร ที่บรรจุอยู่ในขวดทดลองรูปชมพู่ขนาด 250 มิลลิลิตร บ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลาประมาณ 6-7 ชั่วโมง ใส่แลบเฟจที่แยกได้ลงไป 100 ไมโครลิตร บ่มต่อไปอีกเป็นเวลา 24 ชั่วโมง หลังจากนั้นนำไปตกตะกอนเพื่อแยกเซลล์ที่ไม่ต้องการออก โดยปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 4,025 x g เป็นเวลา 10 นาที แยกเอาส่วนน้ำใสซึ่งมีแลบเฟจมาเติมเกลือให้มีความเข้มข้นสุดท้ายเป็น 1 โมลาร์ แชน้ำแข็งเป็นเวลา 30 นาที และเติมพอลิเอธิลีนไกลคอล 8,000 (polyethylene glycol 8,000) ร้อยละ 10 (น้ำหนักต่อปริมาตร) เก็บที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 24 ชั่วโมง แล้วนำไปปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 21,952xg เป็นเวลา 30 นาที ที่อุณหภูมิ 4 องศาเซลเซียส แยกส่วนน้ำใสทิ้งและนำแลบเฟจที่ตกตะกอนได้มาส่องดูรูปร่างของแลบเฟจด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องผ่าน [14-16]

### การศึกษาสมบัติของแลบเฟจในการติดเชื้อมีแบคทีเรียกรดแลคติกสปีชีส์อื่น และจีโนม

นำเซลล์แขวนลอยของแบคทีเรียกรดแลคติกสปีชีส์อื่น ได้แก่ *W. confusa* NRIC 0207, *W. hellenica* NRIC 0203, *W. paramesenteroides* NRIC 1542 และ *W. thailandensis* FS61-1 (ได้รับความอนุเคราะห์เชื้อทั้ง 4 สปีชีส์จากรองศาสตราจารย์ ดร.สมบูรณ์ ธนาศุภวัฒน์ ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะเภสัชศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย) และแบคทีเรียกรดแลคติกจีโนมอื่นที่จะทดสอบปริมาตร 20 ไมโครลิตร มาเติมลงในอาหาร MRS broth ที่มีวุ้นร้อยละ 0.5 ที่หลอมเหลวแล้วผสมให้เข้ากัน แล้วเททับ

ลงบนอาหาร MRS agar ที่แข็งตัว จากนั้นหยดแลบเฟลจที่แยกได้ปริมาตร 10 ไมโครลิตร บ่มที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 24 ชั่วโมง ตรวจสอบผลความสามารถของแลบเฟลจในการติดเชื้อมีแบคทีเรียกรดแลคติกสปีชีส์อื่นหรือจีโนมที่นำมาทดสอบจากการเกิดพลาควิแบริเวมที่หยดแลบเฟลจลงไป [11, 12]

### การศึกษากราฟการเจริญของแลบเฟลจ (One-step growth experiment)

นำเชื้อแบคทีเรียกรดแลคติกที่ติดเชื้อมีแลบเฟลจเป็นเวลา 10 นาที มาทำการปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 21,952xg เป็นเวลา 30 วินาที นำส่วนตะกอนมาทำการแขวนลอยในอาหาร MRS broth เก็บตัวอย่างทุก 5-10 นาที เป็นเวลามากกว่า 2 ชั่วโมง นำตัวอย่างมาทำการปั่นเหวี่ยงที่ความเร็ว 4,025 xg เป็นเวลา 10 นาที จากนั้นนำส่วนใสไปกรองผ่านแผ่นกรองขนาด 0.45 ไมโครเมตร และนำไปหาปริมาณเฟลจโดยใช้เทคนิคการทำอาหารวันสองชั้น นำปริมาณเฟลจที่คำนวณได้ไปสร้างกราฟการเจริญของเฟลจ โดยกำหนดให้ระยะเวลาตั้งแต่เฟลจเริ่มเกาะติดจนถึงเวลาที่เฟลจทำให้เซลล์แบคทีเรียแตกครั้งแรกเป็น latent period [2, 17] และคำนวณ burst size ซึ่งหาได้จากอัตราส่วนของจำนวนเฟลจที่ถูกปล่อยออกมาจากเซลล์แบคทีเรียในช่วงสุดท้ายของ latent period ต่อจำนวนเฟลจที่ถูกปล่อยออกมาจากเซลล์แบคทีเรียครั้งแรกตามวิธีของ Adams [2]

### การศึกษาผลของความเป็นกรดต่อความสามารถทำให้เกิดการติดเชื้อมีของเฟลจ

นำสารแขวนลอยของแลบเฟลจในแต่ละระดับความเจือจางและเซลล์แขวนลอยของแบคทีเรียกรดแลคติกที่ใช้เป็นโฮสต์มาหาปริมาณแลบเฟลจ โดยการทำการอาหารวันสองชั้น ทำการปรับค่าความเป็นกรดต่างของอาหาร MRS broth ที่มีวุ้นร้อยละ 0.5 และ MRS agar ให้มีค่าความเป็นกรดต่างเท่ากับ 4.4-9.6 บ่มใน candle jar ที่อุณหภูมิ 30 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 24 ชั่วโมง นับจำนวนพลาควิแบริเวมที่เกิดขึ้นแล้วนำไปคำนวณกับอัตราการเจือจางเพื่อหาค่าความสามารถในการเกิดพลาควิแบริเวม [7]

### การศึกษาผลของอุณหภูมิต่อการอยู่รอดของแลบเฟลจ

ตามวิธีการของ Lu และคณะ [7] โดยนำเฟลจมาทำการเจือจางด้วยน้ำกลั่น โดยให้มีค่าความสามารถในการเกิดพลาควิแบริเวมเป็น  $10^6$  PFU/ml บ่มที่อุณหภูมิ 70, 80, 90 และ 100 องศาเซลเซียส จากนั้นเก็บตัวอย่างของเฟลจที่ช่วงเวลาต่างๆ มา 1 มิลลิลิตร นำไปหาปริมาณเฟลจโดยใช้เทคนิคการทำอาหารวันสองชั้น

## ผลการทดลอง

### การคัดแยกและจัดจำแนกเชื้อแบคทีเรียกรดแลคติก

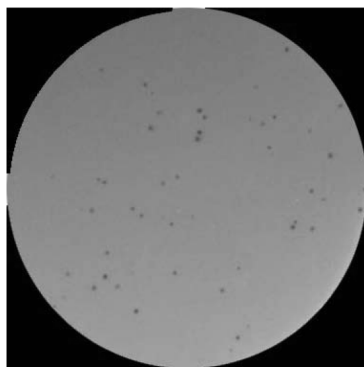
จากการคัดแยกแบคทีเรียจากตัวอย่างหมักจำนวน 36 ตัวอย่าง โดยคัดเลือกโคโลนีสีขาวที่เป็นโคโลนีเดี่ยวขนาด 1-3 มิลลิเมตร ที่มีบริเวณใสรอบโคโลนีบนอาหาร MRS agar ที่ผสม  $\text{CaCO}_3$  ร้อยละ 0.5 นำไปย้อมสีแกรมเพื่อดูลักษณะรูปร่าง เก็บเชื้อที่ติดสีแกรมบวก ไม่สร้างสปอร์ ให้ผลลบในการทดสอบเอนไซม์อะไมเลส เมื่อนำมาจัดจำแนกจีโนมและสปีชีส์โดยอาศัยคุณสมบัติทางชีวเคมี ได้แก่ความสามารถในการเจริญที่อุณหภูมิ 10 และ 45 องศาเซลเซียส ความสามารถในการเจริญที่สภาวะค่า

ความเป็นกรดต่าง 4.4 และ 9.6 ความสามารถในการเจริญที่สภาวะมี NaCl เข้มข้นร้อยละ 6.5 และ 18 และการสร้างก๊าซคาร์บอนไดออกไซด์จากการหมักน้ำตาลกลูโคสพบว่า สามารถแยกแบคทีเรียกรดแลคติกได้ทั้งหมด 41 ไอโซเลท

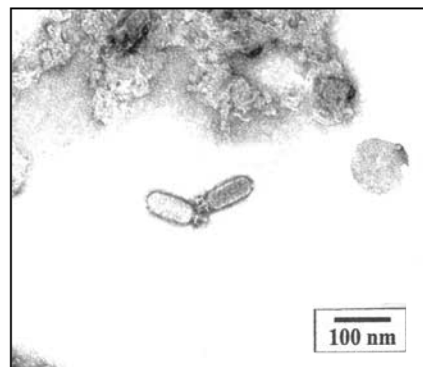
### การแยกแลบเฟลโดยใช้แบคทีเรียกรดแลคติกที่แยกได้เป็นโฮสต์

นำแบคทีเรียกรดแลคติกทั้งหมด 41 ไอโซเลท มาทำการแยกแลบเฟล และนำมาตรวจสอบแลบเฟลโดยใช้เทคนิคการทำอาหารวุ้นสองชั้นพบว่าสามารถแยกแลบเฟลได้ 1 ตัว จากโฮสต์ N 22 ที่ได้ จากตัวอย่างหมักจังหวัดเชียงใหม่ และให้ชื่อแลบเฟลที่แยกได้ว่า  $\phi$  22 เมื่อนำโฮสต์ N 22 มาจัดจำแนกโดยอาศัยคุณสมบัติทางชีวเคมีอื่น โดยใช้ชุดจำแนกแบคทีเรียสำเร็จรูป API 50 CHL (Biomérieux, France) พบว่ามีความคล้ายคลึงกับ *Weissella* sp. ร้อยละ 91.8 และเมื่อนำมาจำแนกสปีชีส์โดยอาศัยลำดับเบสในยีน 16S rRNA พบว่าโฮสต์ N 22 มีความคล้ายคลึงกับ *Weissella cibaria* ร้อยละ 99

สำหรับลักษณะทั่วไปของเฟล  $\phi$  22 พบว่ามีพลาซมขนาดเล็กโดยมีเส้นผ่านศูนย์กลาง 0.3 มิลลิเมตร (รูปที่ 1A) และเมื่อศึกษารูปร่างภายใต้กล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องผ่านพบว่า  $\phi$  22 มีรูปร่างเป็นทรงแท่ง ส่วนหางสั้นจัดอยู่ในกลุ่ม C ตามวิธีของ Bradley และอยู่ใน Family Podoviridae ตามวิธีของคณะกรรมการสากลว่าด้วยการจัดอนุกรมวิธานของไวรัส โดยส่วนหัวมีขนาด 91x36 นาโนเมตร และส่วนหางยาว 27 นาโนเมตร (รูปที่ 1B)



(A)



(B)

### รูปที่ 1 ลักษณะพลาซมาและรูปร่างของแลบเฟล $\phi$ 22

(A) ลักษณะพลาซมา

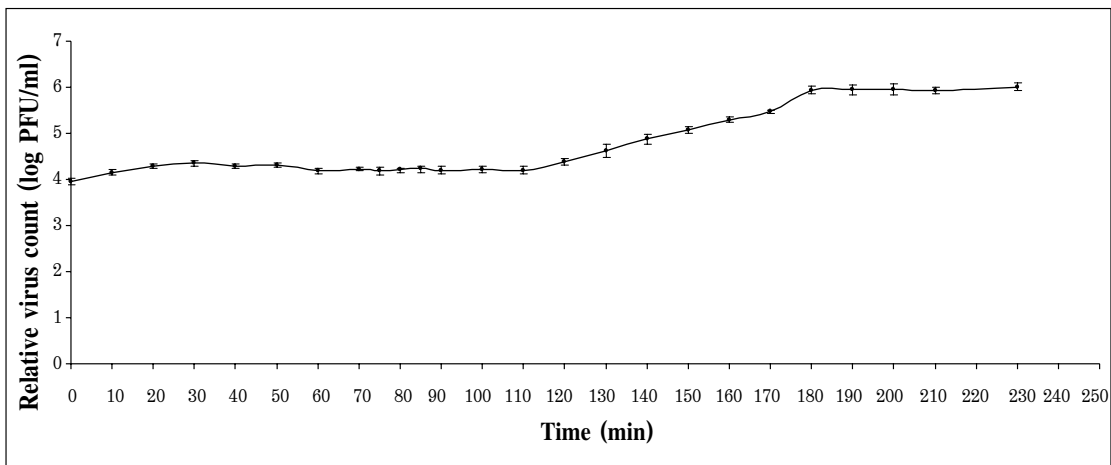
(B) รูปร่างภายใต้กล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องผ่าน

### การศึกษาสมบัติของแลบเฟจในการติดเชื้อมกับแบคทีเรียกรดแลคติกสปีชีส์อื่น และจิ้นส์อื่น

การศึกษาสมบัติของแลบเฟจ  $\phi$  22 ในการติดเชื้อมกับแบคทีเรียกรดแลคติกสปีชีส์อื่น ได้แก่ *W. confusa* NRIC 0207, *W. hellenica* NRIC 0203, *W. paramesenteroides* NRIC 1542 และ *W. thailandensis* FS61-1 และแบคทีเรียกรดแลคติกจิ้นส์อื่น ได้แก่ แบคทีเรียกรดแลคติกทั้งหมดที่แยกได้จากตัวอย่างนมจำนวน 41 ไอโซเลท และ *Lactobacillus sakei* ATCC 15521 พบว่าแลบเฟจ  $\phi$  22 ไม่สามารถทำให้เกิดการติดเชื้อมแบคทีเรียกรดแลคติกทุกชนิดที่ทำการทดสอบ

### การศึกษากราฟการเจริญของแลบเฟจ (One-step growth experiment)

จากการศึกษากราฟการเจริญของแลบเฟจ  $\phi$  22 (รูปที่ 2) จากกราฟ พบว่าเฟจมี latent period เท่ากับ 110 นาที และเมื่อคำนวณ burst size พบว่ามีค่าเท่ากับ 55 particles/infected cell



รูปที่ 2 กราฟการเจริญของแลบเฟจ  $\phi$  22

### การศึกษาผลของความเป็นกรดต่อความสามารถทำให้เกิดการติดเชื้อมของเฟจ

เมื่อทำการปรับค่าความเป็นกรดของอาหาร MRS broth ที่มีวุ้นร้อยละ 0.5 และ MRS agar ให้มีค่าความเป็นกรดเท่ากับ 4.4-9.6 ในการเตรียมการทำวุ้น 2 ชั้น เพื่อทดสอบปริมาณพลาทที่เกิดขึ้น พบว่าค่าความสามารถในการเกิดพลาทที่ความเป็นกรดต่างๆ แสดงดังตารางที่ 1

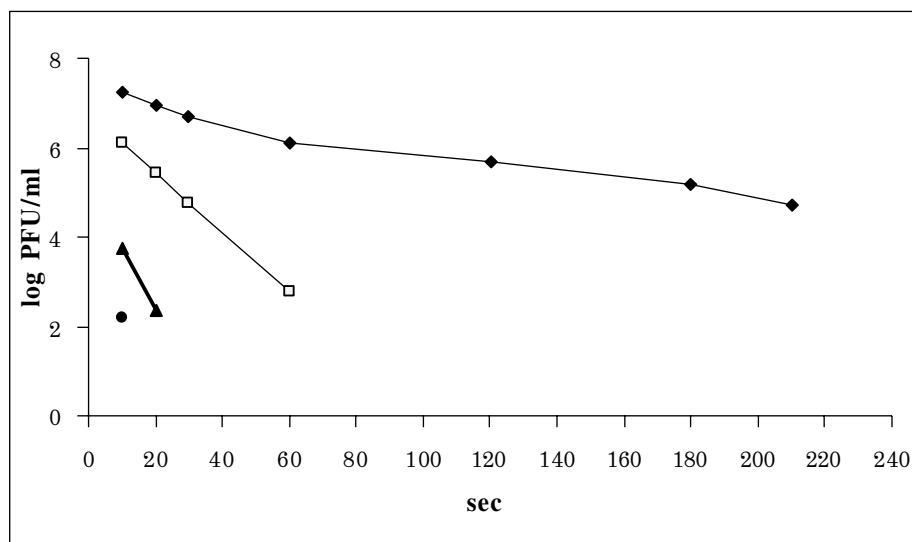


ตารางที่ 1 ค่าความสามารถในการเกิดพลาคลที่ความเป็นกรดต่างๆ

ค่าความเป็นกรดต่าง	ค่าความสามารถในการเกิดพลาคล (PFU/ml)
4.4	0
5	$7.8 \times 10^6$
6	$1.28 \times 10^8$
7	$1.02 \times 10^9$
8	$2.5 \times 10^8$
9.6	0

### การศึกษาผลของอุณหภูมิต่อการอยู่รอดของแลบเฟจ

เมื่อนำแลบเฟจ  $\phi$  22 ที่มีค่าความสามารถในการเกิดพลาคลเท่ากับ  $10^6$  PFU/ml มาบ่มที่อุณหภูมิ 70, 80, 90 และ 100 องศาเซลเซียส พบว่าสามารถหาค่า  $D$  values (ระยะเวลาที่ทำให้ปริมาณเฟจลดลง 1 log (PFU/ml) ณ อุณหภูมินั้น) ของ  $\phi$  22 สามารถคำนวณได้เท่ากับ 60 วินาที ที่อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส และ 15 วินาที ที่อุณหภูมิ 80 องศาเซลเซียส และปริมาณเฟจจะลดลงจนไม่สามารถตรวจสอบได้ที่อุณหภูมิ 80 องศาเซลเซียส ระยะเวลามากกว่า 60 วินาที หรือที่อุณหภูมิ 90 องศาเซลเซียส ระยะเวลามากกว่า 20 วินาที หรือที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส ระยะเวลามากกว่า 10 วินาที (รูปที่ 3)



รูปที่ 3 ผลของอุณหภูมิต่อการอยู่รอดของแลบเฟจ  $\phi$  22 [อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส (◆), อุณหภูมิ 80 องศาเซลเซียส (◇), อุณหภูมิ 90 องศาเซลเซียส (▲), และที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส (●)]

## สรุปและวิจารณ์ผลการทดลอง

การคัดแยกแบคทีเรียกรดแลคติกจากตัวอย่างหมักจำนวนทั้งหมด 36 ตัวอย่าง พบว่าสามารถแยกแบคทีเรียได้ทั้งหมด 41 ไอโซเลท ซึ่งจากกระบวนการผลิตหมักที่ทำการบรรจุโดยได้อากาศออกแล้วปล่อยให้เกิดการหมักด้วยเชื้อในธรรมชาติที่ต้องการออกซิเจนเพียงเล็กน้อยเพื่อการเจริญ ดังนั้นจุลินทรีย์ส่วนใหญ่ที่เจริญมักจะเป็นแบคทีเรียกรดแลคติกซึ่งทำให้ผลิตภัณฑ์มีรสเปรี้ยว ส่วนจุลินทรีย์อื่นที่ต้องการออกซิเจนจะไม่เจริญเติบโต และจุลินทรีย์ชนิดที่ไม่ชอบความเป็นกรดจะตายเพราะกรดที่สร้างออกมาจากจุลินทรีย์ที่ผลิตกรดแลคติก [18] โดยพบว่าแบคทีเรียกรดแลคติกที่ทราบสายพันธุ์ในหมักตามธรรมชาติ (natural fermentation) มีหลายสายพันธุ์ ได้แก่ *Lactobacillus bavaricus*, *Lb. curvatus*, *Lb. farciminis*, *Lb. plantarum*, *Lb. sake*, *Pediococcus damnosus*, *P. acidilactici*, *P. pentosaceus* และ *Leuconostoc* sp. [19] อย่างไรก็ตามการหมักตามธรรมชาติ กิจกรรมการหมักมักไม่คงที่ที่ทำให้ไม่สามารถควบคุมคุณภาพของหมักที่ผลิตได้ เทคโนโลยีการผลิตหมักในประเทศไทยส่วนใหญ่นิยมการหมักโดยอาศัยเชื้อตามธรรมชาติ และใช้ดินประสิวเข้าช่วยเพื่อให้หมักน่ายรับประทาน จากการสำรวจผู้ผลิตจำนวน 80 ราย ในภาคเหนือตอนบนและภาคตะวันออกเฉียงเหนือ พบว่าทุกรายใช้วิธีการหมักตามธรรมชาติ โดยใช้ดินประสิวหรือแป้งช่วยในการหมัก นอกจากนี้ยังพบว่ามีผู้ผลิตในภาคเหนือตอนบนเพียงรายเดียวเท่านั้นที่ใช้เทคนิคการผลิตโดยใช้หัวเชื้อบริสุทธิ์ แต่ไม่พบผู้ผลิตที่ใช้เทคนิคการฉายรังสีแต่อย่างใด [20]

เมื่อนำโฮสต์ N 22 มาจัดจำแนกโดยอาศัยคุณสมบัติทางชีวเคมีอื่น โดยใช้ชุดจำแนกแบคทีเรียสำเร็จรูป API 50 CHL (Biomereux, France) พบว่ามีความคล้ายคลึงกับ *Weissella* sp. ร้อยละ 91.8 และเมื่อนำมาจำแนกสปีชีส์โดยอาศัยลำดับเบสในยีน 16S rRNA พบว่าโฮสต์ N 22 มีความคล้ายคลึงกับ *Weissella cibaria* ร้อยละ 99 ลำดับเบสในยีน 16S rRNA ของโฮสต์ N 22

เมื่อนำแบคทีเรียกรดแลคติกที่แยกได้มาใช้เป็นโฮสต์สำหรับการแยกแลบเฟจพบว่าสามารถแยกแลบเฟจได้ 1 ตัว คือ เฟจ  $\phi$  22 ซึ่งทำให้เกิดพลาซมอด 0.3 มิลลิเมตร เมื่อศึกษารูปร่างภายใต้กล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องผ่านพบว่าจัดอยู่ใน Family Podoviridae โดยมีส่วนหัวเป็นรูปหกเหลี่ยมขนาด 91x36 นาโนเมตร และส่วนหางสั้น ความยาว 27 นาโนเมตร ซึ่งมีลักษณะรูปร่างแตกต่างจากแลบเฟจของ *Weissella* sp. และแลบเฟจส่วนใหญ่ของแบคทีเรียกรดแลคติกที่เคยมีรายงาน โดยส่วนใหญ่ถูกจัดอยู่ใน Family Siphoviridae เช่น เฟจ  $\phi$ JL-1 [7] ที่มีหัวขนาด 59 nm และหางยาว 182 nm และเฟจ B2 [20] ที่มีหัวขนาด 110 nm หางยาว 500 nm เมื่อนำมาศึกษาสมบัติของแลบเฟจในการติดเชื้อมีกับแบคทีเรียกรดแลคติกสายพันธุ์อื่นและจีนส์อื่น พบว่าเฟจ  $\phi$  22 ไม่สามารถทำให้เกิดการติดเชื้อ *Weissella* สปีชีส์อื่นหรือแบคทีเรียกรดแลคติกต่างสปีชีส์ได้ ซึ่งคล้ายกับเฟจของเชื้อ *Weissella* สายพันธุ์อื่นที่เป็นเฟจที่มีความสามารถในการติดเชื้อมีกับแบคทีเรียสายพันธุ์อื่น [21]

จากการศึกษากราฟการเจริญ พบว่าเฟจ  $\phi$  22 มี latent period เท่ากับ 110 นาที ซึ่งนานกว่าเฟจ phage B2 [22] ที่มี latent period เท่ากับ 75 นาที และเฟจ  $\phi$ JL-1 [7] ที่มี latent period เท่ากับ 35 นาที เฟจ  $\phi$  22 มี burst size เท่ากับ 55 phage particles/infected cell ซึ่งใหญ่กว่าเฟจ  $\phi$ JL-1 [7] และเฟจ B2 [22] ที่มี burst size เท่ากับ 22 และ 12-14 phage particles/infected cell ตามลำดับ แต่เฟจ  $\phi$  22 มีขนาด burst size ที่เล็กกว่าเฟจ fri [23] ที่มี burst size เท่ากับ 200 phage particles/infected cell

เฟจ  $\phi$  22 สามารถทำให้เกิดการติดเชื้อมีค่า  $D$  values ในช่วงค่าความเป็นกรดต่าง 5-8 และค่า  $D$  values ของ  $\phi$  22 สามารถคำนวณได้เท่ากับ 60 วินาที ที่อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส และ 15 วินาที ที่อุณหภูมิ 80 องศาเซลเซียส ปริมาณเฟจจะลดลงจนไม่สามารถตรวจสอบได้ที่อุณหภูมิ 80 องศาเซลเซียส ระยะเวลา มากกว่า 60 วินาที หรือที่อุณหภูมิ 90 องศาเซลเซียส ระยะเวลา มากกว่า 20 วินาที หรือที่อุณหภูมิ 100 องศาเซลเซียส ระยะเวลา น้อยกว่า 10 วินาที ซึ่งเฟจ  $\phi$  22 มีความสามารถในการทนต่ออุณหภูมิสูงได้น้อยกว่าเฟจ  $\phi$ JL-1 [7] ที่มีค่า  $D$  values เท่ากับ 2.7 นาที ที่อุณหภูมิ 70 องศาเซลเซียส และ 0.2 นาที ที่อุณหภูมิ 80 องศาเซลเซียส จากการศึกษาทั้งหมดพบว่าเป็นรายงานครั้งแรกที่ค้นพบแลบเฟจของ *Weissella cibaria* และเฟจที่ได้มีลักษณะรูปร่างแตกต่างจากแลบเฟจของ *Weissella* sp. และแลบเฟจส่วนใหญ่ของแบคทีเรียกรดแลคติกที่เคยมีรายงาน นอกจากนี้จากผลการศึกษาผลของอุณหภูมิและผลของความเป็นกรดต่างต่อความสามารถทำให้เกิดการติดเชื้อมีค่า  $D$  values ยังสามารถนำไปใช้เป็นข้อมูลพื้นฐานในการป้องกันการปนเปื้อนจากแลบเฟจในเชื้อเริ่มต้นที่ใช้ในการผลิตอาหารหมักได้ในอนาคต

### กิตติกรรมประกาศ

งานวิจัยนี้ได้รับทุนอุดหนุนการวิจัยจากเงินรายได้มหาวิทยาลัย ประจำปีงบประมาณ พ.ศ. 2551 และขอขอบคุณรองศาสตราจารย์ ดร.สมบูรณ์ ธนาคุวัฒน์ ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะเภสัชศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ที่ให้ความอนุเคราะห์มอบเชื้อทดสอบ และอาจารย์ศรีกาญจนา คล้ายเรือง ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยแม่โจ้ ที่ให้ความอนุเคราะห์ตัวอย่างหมักบางส่วน รวมทั้งอาจารย์ ดร.ศิริพรรณ สุคนธ์สิงห์ คณะเทคนิคการสัตวแพทย์ มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์ ที่ให้คำแนะนำด้านการจัดจำแนกแบคทีเรียกรดแลคติก

### เอกสารอ้างอิง

1. Adam, M. R., and Moss, M. O. 1995. Food Microbiology. Cambridge. The Royal Society of Chemistry.
2. Adams, M. H. 1959. Bacteriophages. New York. Interscience Publishers.
3. Mckane, L., and Kandel, J. 1996. Microbiology. U.S.A. McGraw-Hill.
4. วิเชียร ลีลาวัชรมาศ. 2539. อาหารจากแลคติกแอสิดแบคทีเรียนานาชาติ (ตอนที่ 3). วารสารจรรพ์ 3 (3): 29-31.
5. Geoffrey, C. P. 1987. Fermentation Foods of the World: A Dictionary and Guide. London. Butterworth.
6. Kelly, W. J., Asmunson, R. V., and Huang, C. M. 1996. Characterization of Plantaricin KW30, a Bacteriocin Produced by *Lactobacillus plantarum*. *Journal of Applied Bacteriology* 81: 657-662.

7. Lu, Z., Breidt, Jr. F., Fleminga, H. P., Altermannb, E., and Klaenhammer, T. R. 2003. Isolation and Characterization of a *Lactobacillus plantarum* Bacteriophage,  $\phi$  JL-1, from a Cucumber Fermentation. *Journal of Food Microbiology* 84: 225-235.
8. Kandler, O., and Weiss, N. 1986. Genus *Weissella*. In: Sneath, P.H.A., Mair, N. S., Sharpe, M. E., and Holt, J. G., Editors. *Bergey's Manual of Systematic Bacteriology*, Vol. 2. Baltimore. Williams and Wilkins.
9. Erko, S., and Michael, G. 1991. *Nucleic Acid Techniques in Bacterial Systematics*. U.S.A. John Wiley and Sons.
10. Björkroth, K. J., Schillinger, U., Geisen, R., Weiss, N., Hoste, B., Holzappel, W. H., Korkeala, H. J., and Vandamme, P. 2002. Taxonomic Study of *Weissella confusa* and Description of *Weissella cibaria* sp. nov., Detected in Food and Clinical Samples. *International Journal of Systematic and Evolutionary Microbiology* 52(1): 141-148.
11. Baross, J. A., Liston, J., and Morita, R. Y. 1978. Ecological Relationship Between *Vibrio parahaemolyticus* and Agar-Digesting Vibrios As Evidenced by Bacteriophage Susceptibility Patterns. *Applied and Environmental Microbiology* 36: 500-505.
12. Koga, T., Toyoshima, S., and Kawata, T. 1982. Morphological Varieties and Host Ranges of *Vibrio parahaemolyticus* Bacteriophages Isolated from Seawater. *Applied and Environmental Microbiology* 44: 466-470.
13. Birge, E. A., 2000. *Bacterial and Bacteriophage Genetics*. 4<sup>th</sup> Edition. New York. Springer.
14. Depaola, A., Motes, M. L., Chan, A. M. and Suttle, C. A. 1998. Phage Infecting *Vibrio vulnificus* Are Abundant and Diverse in Oysters Collected from the Gulf of Mexico. *Applied and Environmental Microbiology* 84: 346-351.
15. Ghosh, A. M., Ansari, M. Q., and Datta, G. C. 1989. Isolation and Morphological Characterization of El Tor Cholera Phages. *Journal of General Virology* 70: 2241-2243.
16. Sambrook, J., Fritsch, E. F., and Maniatis, T. 1989. *Molecular Cloning*. 2<sup>nd</sup> Edition. U.S.A. Cold Spring Harbor Laboratory Press.
17. Ellis, E. L., and Delbruck, M. 1939. The Growth of Bacteriophage. *Journal of General Physiology* 22: 365-384.
18. ประเวทย์ ต้อยเต็มวงศ์ และ ชรณี ต้อยเต็มวงศ์. 2536. Rapid method และ Automation สำหรับ จุลชีววิทยาทางอาหาร. ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยเทคโนโลยีพระจอมเกล้าธนบุรี. กรุงเทพฯ. มหาวิทยาลัยเทคโนโลยีพระจอมเกล้าธนบุรี.
19. ปิ่นมณี ขวัญเมือง. 2546. การแยกเชื้อแบคทีเรียกรดแลคติกจากตัวอย่างหมนของประเทศไทยเพื่อใช้เป็นก้ำเชื้อ. ปรินูญานิพนธ์วิทยาศาสตร์ดุขฎิบั้ณทิต (วิทยาศาสตร์การอาหาร) กรุงเทพฯ. บัณทิต วิทยาลัย. มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์.

20. อารี วิบูลย์พงศ์ ทรงศักดิ์ ศรีบุญจิตต์ เยาวเรศ เขาวนพูนผล วิมล อารยะรัตน์ และนัทธิดา ห้วนท้อก. 2545. รายงานการวิจัยการศึกษาสถานภาพการผลิตแหมม: ภาคเหนือตอนบนและภาคตะวันออกเฉียงเหนือ. ได้จาก <http://www.mcc.cmu.ac.th/agbus/data/research%20paper/Project%20Nham.pdf>. 7 เมษายน 2551.
21. Lu, Z., Breidt, Jr. F., Fleminga, H. P., and Plengvidhya, V. 2003. Bacteriophage Ecology in Commercial Sauerkraut Fermentations. *Applied and Environmental Microbiology* 69: 3192-3202.
22. Nester, E. W., Roberts, C. B., and Nester, M. T. 1995. *Microbiology: A Human Perspective*. U.S.A. Wn. C. Brown.
23. Trevors, K. E., Holley, R. A., and Kempton, A. G. 1983. Isolation and Characterization of a *Lactobacillus plantarum* Bacteriophage Isolated from a Meat Starter Culture. *Journal of Applied Bacteriology* 54: 281-288.

ได้รับบทความวันที่ 19 มีนาคม 2552  
ยอมรับตีพิมพ์วันที่ 7 เมษายน 2552

